



FIG. 1A

*	*	*	***
MATTQSCQSRSSACSKAAACFPAAVAVDEEHGHSHQLKGGAQEEAENDNNKPELRRGPW			
M-----			-----RKGFW
MGRPPCC-----			-----DKVGKKGPW
MDK-----			-----KQLCNTSQD-PEVRKGPW
MDK-----			-----K-LGNTSHD-PEVRKGPW
MDK-----			-----KPCDSS-HD-PEVRKGPW
MDK-----			-----KQCKTSQD-PEVRKGPW
MST-----			-----IAKRDLSNNEESELRRGPW
M-----			-----DGKGR-SSNTLLSSEDEM-----DLRRGPW
M-----			-----DEKGR-SSNTLLSCEDEM-----DLRRGPW
MST-----			-----SKSVSSSSEDDNELLRRGPW
MST-----			-----SKSVSSSSEDDNELLRRGPW
MGRPPCC-----			-----DKEGVKKGPW
MDK-----			-----KPC-NSSQD-PEVRKGPW
			60

1

SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:14
SEQ ID NO:26
SEQ ID NO:30
SEQ ID NO:32
SEQ ID NO:34
SEQ ID NO:36
SEQ ID NO:42
SEQ ID NO:44
SEQ ID NO:46
SEQ ID NO:48
SEQ ID NO:50
SEQ ID NO:54
SEQ ID NO:63

SEQ	ID NO: 10	Q L L I D L H T R W G N R W S K I A Q H L P G R T D N E I K N Y W R T R V Q K H A K Q L N C D A N S K R F K D A - - -
SEQ	ID NO: 14	E R M V V Q L H A K L G N R W S R I A K S I P G R T D N E I K N Y W R T H L R K - - - L K L K Q Q K Q Q S D D - - -
SEQ	ID NO: 26	E K L I V H L Q A L L G N R W A A I A S Y L P E R T D N D I K N Y W N T H L K K L K M Q A A G G E D S G A A S E G
SEQ	ID NO: 30	Q L L I M E L H A K W G N R W S K I A K H L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K H I K Q A E - N - F Q Q I S N - - -
SEQ	ID NO: 32	Q L L I M E L H A K W G N R W S K I A K H L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K H L K Q A S - S S F Q Q Q S S N - - -
SEQ	ID NO: 34	Q L L I I E L H A K W G N R W S K I A K H L P G R T D N E I K N F W R T R I Q K H I K Q A E - T S Q Q H G N S S - - -
SEQ	ID NO: 36	Q L L I M E L H A K W G N R W S K I A K H L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K H I K Q A E - N - F Q Q Q S S N - - -
SEQ	ID NO: 42	Q L L I L E L H S K W G N R W S K I A Q H L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K Q A R Q L N I E S G S K R F I D A - - -
SEQ	ID NO: 44	Q L L I L E L H S R W G N R W S K I A Q Y L P G R T D N E I K N Y W R T R V Q K H A K Q L K C D V N S K Q F K D T - - -
SEQ	ID NO: 46	Q L L I L E L H S R W G N R W S K I A Q Y L P G R T D N E I K N Y W R T R V Q K H A K Q L K C D V N S K Q F K D T - - -
SEQ	ID NO: 48	Q L I I L E L H S K W G N R W S K I A Q H L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K Q A R H L K I Y T D S R E F Q E L - - -
SEQ	ID NO: 50	Q L I I L E L H S K W G N R W S K I A Q N L P G R T D N E I K N Y W R T R I Q K Q A R H L K I D T D T R E F Q E L - - -
SEQ	ID NO: 54	E K M I I H L Q D L L G N R W A A I A S Y L P Q R T D N D I K N Y W N T H L R K K L K M Q A G G E G - - - - - - - - -
SEQ	ID NO: 63	Q L L I M E L H S K W G N R W S K I A K H L P G R T D N E I K N F W R T R I Q K H I K Q V D - N P N Q Q N F Q Q K - - -

FIG. 1D

SEQ ID NO:10	-----MRYLWMPHLADDDVTIAAANDDD-EDHHNLRLLVLHHHQAQ	*
SEQ ID NO:14	-----HH-----NDNDDDDDRNSS-SSSSSSNSNSNLQQQPQ-	*
SEQ ID NO:26	GGGRGDGCGGCKSVKAAAPKGWERRLQTDIHTARQALRDALS-----LDHPDPSPAT	*
SEQ ID NO:30	-----NSEINDHQAS---TSHVSTMAEPMETYSPPF	*
SEQ ID NO:32	-----SEIIYHPQAC---TSQVSTMAQPIETYSPPS	*
SEQ ID NO:34	-----ENSNDHQASNS-TSKVSTMAHPNETFSSPS	*
SEQ ID NO:36	-----NSEINDHQAS---TSHVSTMAEPMEMYSPPC	*
SEQ ID NO:42	-----XKCFWMPRLLOK--MEQSNP---SPHSSM-----TNMM	*
SEQ ID NO:44	-----MRYIWMPLVE-----RI-QATAAASAPQVTVPPRP	*
SEQ ID NO:46	-----MXYLXXXKARG-THSSSGDGPRN-HHRNCGRHQCCIHLRXQP	*
SEQ ID NO:48	-----VRRFWMPRLLOK--AKESSSNM-SIQNQAI PMPFDYVSQHL	*
SEQ ID NO:50	-----VRRFWMPRCFKK--PKNH-----LLQPCQFKTRQL	*
SEQ ID NO:54	-GSFGEFASRQI-----PRGWERRLQTDIQMAKRALSEALSPKKPSCLSASNSNP	*
SEQ ID NO:63	-----MS-----LEINDHHHHHPHQPS-SSQVSNLVEPMETYSPTS	*
	181	
		240

FIG. 1E

SEQ ID NO:10	HLQQAAAAAGGAANDLAAGAYDVRQL---HALPSSGMAATSSSDSLASESYDDGGLLFAN
SEQ ID NO:14	-----PEDE-----SSASGSLQAQHHEHQHQLFLH-PLWNDDIIIVDVCWSSSTNVVA
SEQ ID NO:26	AAAAATPAGSSAA---YASSADNIARLLQGWMR--PGGGGGGNGKGPEA---SGSTST
SEQ ID NO:30	YQGML-----YQGML-----EPFSS-----
SEQ ID NO:32	YQGML-----YQATF-----EPFQP-----
SEQ ID NO:34	YQGML-----YQATF-----EPFST-----
SEQ ID NO:36	NLGNSG---EASMSMSSSFNINPSMSSSSPPKGNLLWM-----MP-----NHF-
SEQ ID NO:42	-----TMHTPTEAT
SEQ ID NO:44	YTTKFEVLNHKGRMGLTDPVANNDPVGSHVTQRYPTPENSSSTGASSSDSFGTQVSTISD
SEQ ID NO:46	TVGTIPPWQGPCMNEAGPTYMDQHEQTQTRNTNNGSCISLSESANIPKVP-----QHFG
SEQ ID NO:48	L-----CLLMV---FLS-----IQL-----
SEQ ID NO:50	SSSFSSTKPTTTTQSVCYASSADNIARMLKGWMKNPPKSSRTNSSMTQNSFNNLAGADTA
SEQ ID NO:54	YQGTL-----EPF-P-----
SEQ ID NO:63	241
	300

FIG. 1F

SEQ ID NO:10	LRAGEMLMDGGDWAAQQEADQGL-----WPPPPPPPSDLDQSVVQAAGAGAGQFQ-----D
SEQ ID NO:14	PP-----PM-----PAS-----
SEQ ID NO:26	TATTQQQPQCSGEGAASA-----SASASQSGAAAAATAQT-----PECS
SEQ ID NO:30	-----IQFP-----T
SEQ ID NO:32	-----IQFP-----T
SEQ ID NO:34	-----QFL-----Q
SEQ ID NO:36	-----QFP-----T
SEQ ID NO:42	-----KYVQ-----PHQSI PRF-----LPIFTAT-----
SEQ ID NO:44	L-----ITNSRFTITRA-----
SEQ ID NO:46	LTENSSVPENTNSADY--YQPSQISNY--SDNCITSPSGFLFPQGLDLQSM-----
SEQ ID NO:48	HTTITQFHAL-----NTNDFGFTYEGYN--VNNNVYEMDNFKTTTWTVAEDAQYPIGDCQ
SEQ ID NO:50	--LGPYHHI-----HT-----PLG-----
SEQ ID NO:54	CSSGAKGPLSSAELSENNFESL-----FDFDQSLSSNSDQFSQSLS-----PEAT
SEQ ID NO:63	-----TQFP-----T

301 360

FIG. 1G

SEQ ID NO:10	MELSGWV-----QGFSEITDNFWALEEIWKMQ.-----
SEQ ID NO:14	---PLWDID-----DAFFCSDYSLPLWG.-----
SEQ ID NO:26	TETSK---MATGGGAGGPAPAFSMLSWLLDDGGMGLMDVPLGDPSEFF
SEQ ID NO:30	INPDQ-----SSCCTNDNNNSINYWSMEDIWSMQLLN---GD.---
SEQ ID NO:32	-NPHH-----SSCCTNDNDDNN-NYWSMEDIWSMQL-A---NY.---
SEQ ID NO:34	SMINQ-----VVVPATT-----TIGASRISGRLC---NYSMEIN
SEQ ID NO:36	INPDQ-----SSCCTNDNNN-INYWSMEDSWSMQLLN---G-----D
SEQ ID NO:42	-----
SEQ ID NO:44	---KWG-----
SEQ ID NO:46	-PNTPWNMQSGDSSDN-----FWDVESMLFLEQQL---MNDNM-
SEQ ID NO:48	MVGSNWV-----NNDFACNMWNMDLWQFSKLQ-----K
SEQ ID NO:50	-----RDLV.-----
SEQ ID NO:54	VLQDE---SKPDINIAAEIMPFSLLEKWLLEAGCQEKLVGCCGDAK-FF
SEQ ID NO:63	INNDH-----HQNSNCCANDNNNN-NYWSMEDIWSMQLLN---G-----D

361 410